

Feuille de demande de l'étude génétique des anomalies métaboliques

Ref : RD-BH-GENHO-DE-008 Version : 01 Applicable le : 26-05-2015



Service de Biochimie Hormonologie (Pr D. Porquet),

Secteur de Biochimie Métabolique,

Hôpital Robert Debré, 48, boulevard Sérurier

75935 Paris cedex 19,

tel: 01 40 03 40 42 - fax: 01 40 03 47 90

(Personnes à contacter : Dr JF Benoist, Dr A Imbard, A Bourillon, M Nicolas ou N Royer)

IDENTITE DU PATIENT	CONTEXTE:	
Nom : Prénom : Date de naissance :// Sexe : □ Féminin □ Masculin □ Foetus	□ Suspicion diagnostique □ Etude familiale, dans ce cas, remplir impérativement les renseignements suivants : - Lien de parenté avec le cas index : - Nom et prénom du cas index :	
SERVICE DEMANDEUR	Date de prélèvement :	Type de prélèvement : ☐ Sang périphérique
Service :	/	☐ ADN extrait ☐ Tube PAXgene ☐ Fibroblastes
Adresse : Code postal :	Date de réception :	☐ Liquide amniotique ☐ Trophoblaste ☐ Buvard ☐ Autre :
Pays : Téléphone :	/ A remplir par le laboratoire	

MODALITES DE PRELEVEMENT

- ADN : prélever 5 mL de sang périphérique sur EDTA ou à défaut du sang de cordon, ou liquide amniotique prélever sur buvard <u>uniquement dans le cas de recherche de mutation(s) ciblée(s)</u> (faire sécher le buvard avant de l'envoyer sous enveloppe)
- 2. **ARN** : prélever 5mL de sang sur tube spécifique PAXgene® (le tube sera fourni par le laboratoire).
- 3. Joindre pour chaque prélèvement :
 - la feuille de renseignements complétée
 - le consentement éclairé signé par le patient, ou les parents si le patient est mineur
 - le bon de commande pour les demandes hors APHP
- 4. Faire parvenir l'échantillon au laboratoire de Biochimie Génétique entre 8h30 et 16h30 (sauf samedi, dimanche et jours fériés)
- Maintenir l'échantillon à +4°C (l'échantillon peut se conserver plusieurs jours à +4°C)
 NE PAS CONGELER

Il est impératif de respecter ces quelques règles, <u>ainsi que de nous faire parvenir le **consentement éclairé** du patient (ou des parents) et la **description clinique**.</u>



RD-BIOCHIMIE-HORMONOLOGIE

Feuille de demande de l'étude génétique des anomalies métaboliques

Ref : RD-BH-GENHO-DE-008 Version : 01 Applicable le : 26-05-2015



GENES A ETUDIER

AMM isolées typiques :	AMM + homocystéinémie :	
☐ Méthylmalonyl-CoA mutase (<i>MUT</i>) ☐ cblA (<i>MMAA</i>) ☐ cblB (<i>MMAB</i>) ☐ cblD (<i>MMADHC</i>)	□ cblC (<i>MMACHC</i>) □ cblD (<i>MMADHC</i>) □ cblF (<i>LMBRD1</i>) □ cblJ (<i>ABCD4</i>) □ cblX (<i>HCFC1</i>)	
AMM isolées atypiques :	☐ Transcobalamine II (<i>TCN2 ou TCII</i>) ☐ TCBLR (<i>CD320</i>)	
□ SUCLA2 □ SUCLG1 □ Méthylmalonyl-CoA Racemase (MCEE) □ MéthylMalonate-Semialdehyde DéHydrigénase (MMSDH, ALDH6A1)	Déficit de l'absorption de la Vitamine B12 : □ Facteur intrinsèque gastrique (GIF) □ Amnionless (AMN)	
Acidurie malonique et méthylmalonique :	☐ Cubiline (<i>CUBN</i>)	
☐ Malonyl-CoA Décarboxylase (<i>MLYCD</i>) ☐ Acyl-CoA synthetase Family member 3 (CMAMMA, <i>ACSF3</i>)	Cycle de l'urée :	
Hyperhomocystéinémie isolée : ☐ Méthylène tetrahydrofolate réductase (MTHFR) ☐ CbIG (Méthionine synthase (MTR) ☐ CbIE (Méthionine synthase réductase (MTRR) ☐ cbID (MMADHC) ☐ Méthylène tétrahydrofolate déhydrogénase (MTHFD1) ☐ Méthylène tétrahydrofolate déhydrogénase 1 llike (MTHFD1L) ☐ CBS	☐ Déficit en OTC (OTC) ☐ Citrullinémie de type I (ASS1) ☐ NAGS ☐ CPS1 ☐ ASL ☐ ARG1 ☐ ORNT1 (SLC25A15) ☐ CTNL2 (SLC25A13) ☐ GLUD1	
	I DI .	
Métabolisme des folates : □ Déficit central en folates (FOLR1) □ PCFT (SLC46A1)	<u>LPI:</u> □ <i>SLC3A2</i> □ <i>SLC7A7</i>	
□ RFC1 (SLC19A1) □ THTR1 (SLC19A2) □ THTR2 (SLC19A3) □ DHFR	Cystinurie: □ SLC7A9	
Neurométabolisme :	□ SLC3A1	
☐ Convulsions Phosphate de pyridoxal-dépendantes (<i>PNPO</i>)☐ Convulsions pyridoxino dépendantes (antiquitin, <i>ALDH7A1</i>)	Défaut de synthèse des clusters Fe/S : □ Bola 3	
Autres :	□ <i>NFU1</i> □ I <i>BA57</i> (C1orf69)	
 □ Déficit primaire en carnitine (OCTN2) □ Maladie de Pompe (GAA) □ Syndrome de Megdel (SERAC1) □ Atrophie gyrée de la rétine (OAT) 	□ GLRX5 □ LIAS □ DLD □ LIPT1	